



2 199 050 (11) Número de publicación:

(21) Número de solicitud: 200200686

(51) Int. Cl.7: C12N 15/29

C07K 14/415

G01N 33/68

A61K 39/36

A61P 37/08

(12)SOLICITUD DE PATENTE

**A**1

22 Fecha de presentación: 22.03.2002

Solicitante/s: UNIVERSIDAD COMPLETENSE DE MADRID

Avenida de Séneca, 2 28040 Madrid, ES

(43) Fecha de publicación de la solicitud: 01.02.2004

(2) Inventor/es: Rodríguez García, Rosalía y Villalba Díaz, María Teresa

Fecha de publicación del folleto de la solicitud: 01.02.2004

(74) Agente: No consta

Título: Producción del alergeno recombinante de "Chenopodium album" Che a 1, y sistema de aislamiento y purificación.

(57) Resumen:

Producción del alergeno recombinante de "Cheno-podium album" Che a 1, y sistema de aislamiento y

purificación. La invención consiste en la producción de la proteína Che a 1, mediante tecnología recombinante en la levadura "Pichia pastoris", que implica el uso de la secuencia nucleotídica caracterizada por SEQ ID NO:1 ó de otras secuencias nucleotídicas obtenidas por mutagénesis de la secuencia SEQ ID NO: 1. Para ello se ha aislado a partir de polen de "Chenopodium ello se ha aislado a partir de polen de "Chenopodium album", purificado y caracterizado un alergeno principal que es reconocido por más del 60 % de los pacientes alérgicos a esta fuente biológica. Asimismo se ha clonado y expresado el DNA recombinante que codifica el alergeno Che a 1 de polen de ceñigo (Chenopodium album). Este alergeno tiene homología con proteínas de abedul y ballico. La proteína recombinante producida en la levadura (Pichia pastoris) se aísla con gran rendimiento, está correctamente plegada y exhibe propiedades inmunológicas equivalentes a las del alergeno natural por lo que tanto ella como las proteínas homólogas, las formas modificadas derivadas de ellas, los fragmentos derivados que contengan al menos un epítopo alergénico, pueden contengan al menos un epítopo alergénico, pueden ser empleadas en protocolos de diagnosis e inmunoterapia.

20

25

30

45

50

55

65

#### DESCRIPCION

1

Producción del alergeno recombinante de "Chenopodium album" Che a 1, y sistema de aislamiento y purificación.

Objeto de la invención

La presente invención, según se expresa en el enunciado de esta memoria descriptiva, se refiere a uno de los alergenos del polen de ceñigo (Chenopodium album), la proteína Che a 1, y a epítopos alergénicos presentes en la proteína. La invención también hace referencia a los DNAs recombinantes que codifican tanto proteínas completas como fragmentos que incluyen al menos un epítopo de la molécula, así como moléculas homólogas de Che a 1 con capacidad alergénica en otras especies relacionadas v no relacionadas. En concreto el objeto de la invención consiste en la producción de la proteína Che a 1, mediante tecnología recombinante en la levadura Pichia pastoris, que implica el uso de la secuencia nucleotídica caracterizada por SEQ ID NO:1 ó de otras secuencias nucleotídicas obtenidas por mutagénesis de la secuencia SEQ ID NO: 1.

La invención proporciona también un eficaz método de aislamiento tanto para el alergeno recombinante como para el natural.

#### Estado de la técnica

La alergia tipo I es una enfermedad que afecta a más del 20 % de la población de los países industrializados. Esta afección es ocasionada por los alergenos, presentes tanto en organismos y productos biológicos -alimentos, ácaros, venenos de insectos, pólenes, hongos, epitelios de mamíferos-, como en materiales de síntesis. En la mayor parte de las fuentes biológicas alergénicas, los alergenos son proteínas de masas moleculares comprenaiaas entre 5 y 70 kDa. Los síntomas que se derivan de la alergia, tales como rinitis, conjuntivitis, o asma, son provocados por la liberación de mediadores celulares, como la histamina, desde basófilos y mastocitos, células del sistema inmune. Dicha liberación viene inducida por el entrecruzamiento de anticuerpos IgEs unidos a los receptores de alta afinidad  $Fc\epsilon RI$ , los cuales se encuentran a su vez anclados a basófilos y mastocitos. El entrecruzamiento de las IgE es provocado por la unión del correspondiente alergeno, o un fragmento suyo, a través de un epítopo IgE (contenido en dicho alergeno, o en su fragmento). La terapia que actualmente se viene utilizando para tratar la alergia implica la hiposensibilización del paciente mediante la administración por vía parental u oral de dosis adecuadas del propio alergeno, o alergoides relacionados. En la práctica totalidad de los casos se administra un extracto alergénico obtenido, mediante una mínima manipulación de la fuente biológica natural, lo que implica a una mezcla muy compleja de proteínas y otras sustancias, en la cual, el alergeno -o alergenos- puede representar una parte ínfima del producto total utilizado.

En efecto, en la actualidad, los protocolos utilizados para la diagnosis de casos de alergia y su posterior inmunoterapia implican el uso de extractos alergénicos que frecuentemente no están caracterizados, ni siquiera estandarizados respecto a los alergenos más importantes que pue-

den contener. A menudo, su administración no proporciona una diagnosis completa, sobre todo cuando la hipersensibilidad del paciente se refiere a alergenos presentes en baja concentración en dichos extractos. Por otro lado, la inmunoterapia realizada con estas preparaciones es frecuentemente ineficaz y origina en ocasiones efectos secundarios indeseables que pueden llegar a ser más graves que la propia afección alérgica que se pretende resolver. Una alternativa a la utilización de estos extractos es la preparación de mezclas de los alergenos más significativos, obtenidos por aislamiento de su fuente natural. Sin embargo, esta vía presenta dos importantes barreras. Por un lado, implica un buen conocimiento de los componentes alergénicos del material que provoca la alergia, al menos de todos sus alergenos principales, y este dato, frecuentemente, no está disponible. Por otro lado, el proceso de aislamiento de los alergenos conocidos, a partir del material biológico, es a menudo difícil y no proporciona las cantidades necesarias o la calidad requerida para un posterior empleo, debido fundamentalmente a los bajos niveles en los cuales se encuentra. Todos estos problemas se acentúan cuando el material alergénico es el polen de una especie vegetal. La gran cantidad de pigmentos, carbohidratos, lípidos y componentes insolubles hacen muy difícil su manipulación. Ni que decir tiene que su disponibilidad es, además, muy reducida y de alto coste económico, debido a la dificultad de su recolección. Por todo lo expuesto, se hace necesario el diseño de procedimientos para la producción de alergenos a utilizar en los protocolos de diagnosis e inmunoterapia de la alergia. La producción de DNA recombinante se prevé como la forma más reproducible y eficaz de obtención de polipéptidos alergénicos bien definidos, no sólo para uso clínico, sino incluso para investigación.

La polinosis a ceñigo está adquiriendo una cierta relevancia como responsable en la inducción de alergia en países del área mediterránea y zonas desérticas, donde este arbusto está ampliamente extendido (Galán C. et al (1989) Ann. Allergy 63, 435-437; Subiza J. et al (1998) Rev. Esp. Alergol. Inmunol. Clin. 13, 45-58; Suliman FA et al (1997) Ann. Allergy Asthma Immunol. 78, 415-418). En la actualidad, poco se conoce acerca de las moléculas alergénicas en esta fuente biológica, siendo este alergeno el primero que se caracteriza.

Explicación de la invención

Producción del alergeno recombinante de *Che*nopodium album Che a 1 en la levadura *Pichia* pastoris, y sistema de aislamiento y purificación.

La presente invención se refiere al método de aislamiento utilizado para la purificación del alergeno Che a 1 -un alergeno del polen de ceñigo de creciente importancia clínica, con una prevalencia del 60 % de los pacientes alérgicos al polen de ceñigo- a partir del polen de ceñigo (Chenopodium album). Más específicamente comprende la obtención, mediante clonación, de moléculas de DNA recombinante que codifican polipéptidos con las mismas o similares propiedades antigénicas que el alergeno procedente del polen de Chenopodium, o bien polipéptidos que posean al menos un epítopo, antigénico o alergénico, del alergeno Che a 1. La invención incluye también la

45

50

55

secuencia completa del cDNA del alergeno Che a 1 y la secuencia completa deducida del alergeno.

3

El procedimiento objeto de la invención, permite llevar a cabo la purificación del alergeno Che a 1 del polen de ceñigo a partir de un extracto proteico de polen mediante una cromatografía de penetrabilidad y HPLC, según se describe detalladamente más adelante.

De esta forma, se obtienen moléculas de DNA recombinante que codifican polipéptidos que exhiben la antigenicidad de Che a 1, así como polipéptidos que contienen, al menos, un epítopo de Che a 1 en su estructura. La invención dispone de secuencias polinucleotídicas de DNA que hibridan, en condiciones restrictivas, con las descritas antes -lo que implica un nivel de identidad de al menos un  $60\,\%$  entre sus secuencias de nucleotidos-, o bien son derivadas de ellas por degeneración del código genético o mutagénesis.

El procedimiento de clonación del alergeno recombinante de *Chenopodium album* Che a 1, incluye vectores de clonación y células huésped que contienen una secuencia de nucleotidos como la descrita en SEQ ID NO: 1, codificante de Che a 1, proteínas homólogas o fragmentos suyos.

Por lo tanto se obtienen fragmentos nucleotídicos que poseen, al menos, una secuencia que codifica un determinante antigénico del alergeno Che a 1 de ceñigo o de fragmentos suyos, así como de alergenos homólogos de Che a 1, principalmente en especies relacionadas con el ceñigo que, dada la similitud estructural, presentan reactividad alergénica cruzada con Che a 1 o con una parte de él. Entre las especies relacionadas con el ceñigo se encuentran: Betula verrucosa (abedul) y Lolium perenne (ballico) con una similitud de 70 % y 51 %, respectivamente.

Estos polipéptidos pueden contener la secuencia antigénica unida a otros polipéptidos (por ejemplo como proteínas de fusión), haber sido sintetizados químicamente o haber sido obtenidos mediante digestiones proteolíticas y modificados química o enzimáticamente.

La inserción de dicha secuencia en vectores de expresión en organismos hospedadores eucarióticos permite disponer de construcciones recombinantes que pueden utilizarse para la producción del alergeno recombinante.

Una vez producida la molécula polipeptídica con actividad antigénica de Che a 1 o epítopos B y T suyos, ésta es aislada del medio rico extracelular del cultivo en forma soluble mediante cromatografía de intercambio amónico, penetrabilidad y HPLC o del medio mínimo mediante cromatografía de penetrabilidad y HPLC.

Los productos recombinantes obtenidos mediante el procedimiento objeto de la invención presentan la capacidad de unión de anticuerpos IgE del suero de pacientes alérgicos a ceñigo, sensibles a Che a 1.

Finalmente, con el procedimiento objeto de la invención, se dispone de Che a 1 inmunológicamente activo, además de fragmentos antigénicos y alergénicos de este alergeno, y de proteínas homólogas de él, que sirven para ser incorporados en las pruebas "in vivo" e "in vitro" a realizar para la fiel diagnosis de la hipersensibilidad a este polen, y a otros pólenes relacionados filogenéticamente

con él. También podrán ser empleados en las preparaciones de alergenos que se utilicen para llevar a cabo la inmunoterapia correspondiente para el tratamiento de la alergia al polen de ceñigo.

4

Para el diagnóstico y la terapia de la alergia al polen de ceñigo se utilizan actualmente extractos proteicos obtenidos a partir del polen. Esto implica una escasa reproducibilidad y un alto contenido en moléculas contaminantes, de origen proteico y no proteico, que pueden originar efectos secundarios adversos en los pacientes tratados. El disponer de moléculas homogéneas obtenidas por las técnicas del DNA recombinante, en cantidades ilimitadas, perfectamente cuantificables y estandarizadas, rebajaría considerablemente todos los inconvenientes citados. Esta tecnología permite disponer de esas moléculas y, además, de péptidos o formas modificadas de las mismas que contienen al menos uno de los epítopos alergénicos.

### Modo de realización de la invención

La presente invención se refiere a un DNA recombinante que codifica epítopos del alergeno de Chenopodium album Che a 1, a la producción recombinante, en la levadura Pichia pastoris, de los polipéptidos codificados por dicho DNA y al aislamiento del alergeno natural procedente del polen de reñigo. También se refiere a la aplicación de ambas moléculas en el diagnóstico y terapia de este desorden inmunológico.

En el procedimiento de clonación del alergeno recombinante de Chenopodium album Che a 1, se llevó a cabo la obtención de la secuencia N-terminal mediante Degradación de Edman. Parte de esa secuencia (Cys Arg Val Gln Pro Met Thr) sirvió para diseñar el oligonucleótido degenerado, NCH3: 5'-TGYCGNGTNCARTTYATGAC-3 que fue utilizado para amplificar por PCR la secuencia parcial codificante (16-143) y no codificante 3' correspondientes al cDNA de Che a 1. Estas secuencias permitieron posteriormente obtener la secuencia C-terminal, (Asp Leu Tyr Asp Val Lys Ala Asn), con la que se diseñó el oligonucleotido no degenerado NCH4: cgtccgcggttaA-TTAGCTTTAACATCATAAAGATC. La clonación del producto de la amplificación con los oligonucleótidos no degenerados, NCH5: cgtctcgagaaaagaGCCGAGAACCATTTCAAAGTC (Ala Glu Asn His Phe Lys Val) y NCH4 permitió la obtención de la secuencia de nucleótidos codificante para la proteína madura completa, secuencia que se utilizó para llevar a cabo la expresión.

El procedimiento objeto de esta invención se realiza mediante las siguientes fases:

### • Aislamiento de RNA total

Se aisló el RNA total a partir del polen de ceñigo siguiendo el protocolo publicado por Ullrich y col. [Science 196, 1313-1318, 1977]. En este aislamiento se partió de 0.5 g de polen que se homogeneizó en un tampón 0.1 M de Tris-HCl, pH 7.5 que contenía tiocianato de guanidinio 4 M, laurilsarcosinato sódico al 0.5 % y 2-mercaptoetanol 0.14 M, mediante un homogeneizados Polytron. Se centrifugó esta suspensión a 5000 xg a 20°C en una centrifuga Sorvall. Posteriormente se sometió el sobrenadarte a una centrifugación en gradiente de CsCl 5.7 M en 0.01 M EDTA a 40.000 rpm en un rotor SW 60 (Beckman) durante 12 horas. A partir de 5  $\mu \rm g$ 

20

25

30

35

de RNA total se llevó a cabo la síntesis del cDNA utilizando el "kit" SMART II de síntesis de cDNA (Clontech).

• Clonación de Che a 1 basada en técnicas de PCR

Como ya se ha mencionado anteriormente, los cebadores correspondientes a las secuencias N- y C-terminal utilizados fueron diseñados teniendo en cuenta la secuencia de la proteína obtenida por degradación de Edman y por secuenciación del fragmento de PCR, respectivamente. El método utilizado se basó en una reacción de PCR en varias etapas. En la primera de ellas, se obtiene la secuencia completa de Che a 1, incluyendo la secuencia 3' no codificarte de este alergeno. Para ello se utiliza como molde el cDNA específico de Che a 1 y como cebadores, el oligonucleótido degenerado NCH3, correspondiente a una secuencia contenida en la secuencia N-terminal de la proteína determinada por degradación de Edman, y el oligonucleótido inespecífico UPM: 5'-CTAATACGACTCACTATAGGGC-3'. El molde y los cebadores NCH3 y UPM fueron disueltos en una mezcla de PCR estándar (250  $\mu M$  de dN-TPs, tampón estándar y 50 pmoles de los cebadores). Después de una primera etapa de desnaturalización a 95°C durante 15 min, se llevaron a cabo 25-35 ciclos a temperaturas de hibridación de 42-55°C en presencia de Advantage DNA polimerasa II(Clontech). La reacción se sometió a electroforesis en geles de agarosa al  $1.5\,\%$  y los fragmentos de DNA fueron purificados usando el Magic PCR Prep kit (Promega) e insertados en el plásmido pCR2.1 linearizado y con una T terminal en los extremos 5'. Con esta construcción se transformaron células competentes TOP10, a continuación se seleccionaron los recombinantes y se llevó a cabo la secuenciación de algunos de los clones seleccionados, obteniéndose secuencias de este alergeno. En una segunda etapa de PCR utilizando los oligonucleótidos NCH4 y UPM se ha determinado la secuencia codificante incluyendo la correspondiente al péptido señal de la proteína. En la última etapa de PCR, y utilizándose los oligonucleótidos no degenerados NCH4 y NCHS se obtuvieron los fragmentos de DNA que contenían la secuencia codificante correspondiente al alergeno maduro.

Para la producción de la forma recombínante de esta proteína, la secuencia codificante de DNA fue ligada al plásmido de expresión pPICZ $\alpha$ A (Invitrogen Corp.). Las células utilizadas fueron de

la cepa KM71 de Pichia pastoris. La inducción se llevó a cabo por metanol al 0.5% durante cinco días, creciendo las células a 30°C en medio rico o medio mínimo de crecimiento de levadura. Las células se sedimentaron centrifugando a 5000 xg, se recogieron los sobrenadantes y una muestra de los mismos se aplicó en un gel de poliacrilamida al 15 % en presencia de SDS. Una banda de 19.5 kDa, única, fue detectadá mediante tinción de los geles con Azul de Coomassie. La proteína es reconocida por sueros de pacientes alérgicos específicos de Che a 1 natural (dilución 1:10). La purificación de las proteínas obtenidas en medio mínimo se realizó mediante la liofilización del medio extracelular de la levadura y la aplicación de dos etapas cromatográficas, una de penetrabilidad en Sephadex G-75 y otra en una columna de fase reversa C-18 en HPLC, obteniéndose tras esta última el alergeno con un grado de pureza del 99%. Para la producción del alergeno en medio rico se llevó a cabo una etapa adicional de intercambio fónico en DEAE-celulosa con el medio extracelular dializado y después se realizaron las dos etapas cromatográficas, penetrabilidad y HPLC, llevadas a cabo con la proteína producida en medio mínimo. Se hicieron con ellas estudios de caracterización estructural (espectros de dicroismo en el W lejano, espectrometría de masas) e inmunológica (con sueros individuales de pacientes alérgicos) y en todos los casos las proteínas recombinantes se comportaron de manera equivalente a la del alergeno natural.

• Aislamiento del alergeno Che a 1 a partir del polen de ceñigo (Chenopodium album)

El alergeno Che a 1 ha sido purificado a partir de extracto proteico de polen de ceñigo, obtenido por homogeneización de 3g de polen en bicarbonato amónico 50 mM pH 8.0. Dicho extracto fue aplicado a una columna de Sephadex G-75. Las fracciones que contenían la proteína fueron aplicadas a una columna de fase reversa C-18 en HPLC con un gradiente de acetonitrilo del 0-60% en TFA al 0.1%.

La invención comprende el uso de Che a 1 recombinante en diagnóstico, "in vivo" mediante pruebas cutáneas o "in vitro" mediante técnicas de inmunodetección (ELISA, RAST), permitiendo precisar qué alergenos son los responsables de la sintomatología clínica de un individuo y reducir así el número de moléculas necesarias para su inmunoterapia. Se origina, por tanto, una inmunoterapia personalizada.

55

50

45

60

65

10

20

25

30

35

40

45

## REIVINDICACIONES

1. Moléculas de DNA recombinante caracterizadas por SEQ ID NO: 1 que codifican polipéptidos con actividad alergénica y que poseen al menos un epítopo alergénico común con el alergeno Che a 1 de Chenopodium album.

2. Moléculas de DNA recombinante, o modificaciones de las mismas, según reivindicación 1, que codifican polipéptidos con, al menos, un epítopo de Che a 1 en su estructura, unido a un polipéptido adicional, o modificado química o en-

zimáticamente

3. Moléculas de DNA recombinante caracterizadas por hibridar en condiciones fuertemente restrictivas con la descrita en SEQ ID NO 1.

- 4. Moléculas de DNA recombinante caracterizadas por presentar, al menos, un 60% de identidad con la descrita en SEQ ID NO: 1, conteniendo una secuencia de nucleótidos que codifica un polipéptido con actividad alergénica idéntica o reducida (hipoalergénica) con respecto a Che a
- 5. Polipéptido recombinante correspondiente al alergeno Che a 1 de Chenopodium album, o fragmentos de dicho polipéptido, según reivindicaciones 1 y 2, **caracterizado** por la secuencia dada en SEQ ID NO: 2 y que presentan la antigenicidad de, al menos, un epítopo de Che a 1.
- 6. Polipéptidos recombinantes del alergeno homólogo de Che a 1 en otras especies relacionadas y no relacionadas filogenéticamente, o fragmentos de dichos polipéptidos, según reivindicaciones 3 y 4 que presentan la antigenicidad de, al menos, un epítopo de Che a 1.

7. Polipéptidos que posean una secuencia de aminoácidos según reivindicaciones 5 y 6, y que presenten una alergenicidad atenuada.

8. Polipéptidos o fragmentos de dichos polipéptidos de polen de Chenopodiaceas con, al menos, un epítopo de Che a 1, según reivindicaciones anteriores, que se produzcan recombinantes unidos a un polipéptido adicional.

9. Polipéptidos de polen de Chenopodium album, según reivindicaciones anteriores, que estén

modificados química o enzimáticamente.

10. Un vector de expresión eucariota, y preferentemente pPICZ $\alpha$ A, que contenga las secuencias caracterizadas por SEQ ID NO: 1, según

reivindicaciones 1, 2, 3 y 4, cuya expresión dé lugar a la producción de los polipéptidos carcterizados por SEQ ID NO: 1 y 2 según las reivindicaciones 5, 6, 7, 8 y 9.

11. Un organismo hospedador eucariota, preferentemente la levadura Pichia pastoris, transformado con la construcción formada según reivindicación 10.

12. Un método para producir las formas recombinantes correspondientes a las secuencias polipeptídicas descritas en las reivindicaciones 5, 6, 7, 8 y 9, en el sistema eucariótico de levadura Pichia pastoris, y preferentemente de la cepa KM71, crecidas en medio rico, caracterizado por una cromatografía de intercambio fónico en DEAEcelulosa, una de penetrabilidad en Sephadex G-75 y una en una columna C-18 de fase reversa de HPLC.

13. Un método para producir las formas recombinantes correspondientes a las secuencias polipeptídicas mencionadas en las reivindicaciones 5, 6, 7, 8 y 9, en el sistema eucariótico de levadura *Pichia pastoris* y preferentemente de la cepa KM71 crecidos en medio mínimo, caracterizado por una cromatografía de penetrabilidad en Sephadex G-75 y una en una columna C-18 de fase reversa de HPLC.

14. Un método para el aislamiento del alergeno Che a 1 a partir del polen de Chenopodium album utilizando una cromatografía de penetrabilidad en Sephadex G-75 y otra en nucleosil C-18 de fase reversa de HPLC

15. Utilización de las moléculas, según reivindicaciones 1-9, en el diagnóstico "in vitro" de la alergia.

16. Aplicación de las moléculas recombinantes de las reivindicaciones 1-9 para el diseño de vacunas destinadas a la inmunoterapia de la aler-

17. Aplicación de las moléculas recombinantes de las reivindicaciones 1-4 para producir péptidos, según reivindicaciones 5-9, que contengan al menos un epítopo T alergénico, capaces de actuar como vacunas.

18. Aplicación de las moléculas recombinantes de las reivindicaciones 1-4 en la producción de isoformas recombinantes hipoalergénicas que tengan disminuida o anulada su unión a IgE para el tratamiento de alergias.

50

55

60

65

## ES 2 199 050 A1

## LISTAS DE SECUENCIAS

5																		
	<110	> Un	iver	sida	ıd Co	mplu	tens	e de	Mad	rid								
	<120	> Pr	oduc	cció	n de	1 a	lerg	eno	reco	ombi	nant	ce d	e Ch	enop	odi	um a	lbum	Che
10		a 2	l, y	sis	stem	a de	ais	slam	ient	:0 у	pur	ifi	caci	ón.				
	<160	> 2																
	<210	> 1																
15	<211	> 56	7															
	<212> DNA																	
	<213	> Ch	enop	odiu	m al	bum												
	<220	>																
20		> CD																
		> (1	)	(504	)													
	<300			10														
25		> AY																
	<309	> 20	OT I	.0 19														
	- 10	<b>3.</b> 1																
30		)> 1					~++		att	++~	at t	aac	act	ctc	tac	atc	18	
	atg Met	gcg Ala	aag Lys	Cys	Gln	Ala	Val	Phe	ctt Leu	Leu	Val	Gly	Ala	Leu	Cys	Val	40	
	1				5					10					15			
35	ctg	tcc	ttg	gcc Ala	ggt Glv	gta Val	gcc Ala	aat Asn	gcc Ala	gcc Ala	gag Glu	aac Asn	cat His	ttc Phe	aaa Lys	gtc Val	96	
	пец	Ser	пси	20	Ory	•			25					30	•			
	cag	ggc	atg	gtg	tac	tgt	gac	act	tgc	cgt	atc	caa	ttt	atg	acc	cgc	144	
40	Gln	Gly	Met 35	Val	Tyr	Cys	Asp	Thr	Cys	Arg	Ile	Gln	Phe 45	Met	Thr	Arg		
40								~~~	2 a t	~+~ ·		++~	<b>~</b> 22	tac	arra	aac	197	
	att Ile	agt Ser	Thr	Ile	Met	Glu	Gly	Ala	act Thr	Val	Lys	Leu	Glu	Cys	Arg	Asn	175	
		50					55					60						
45	att	act	gca	gga	act	cag	acc	ttc	aaa Lys	gct	gaa	gct	gta Val	act	gat	aag Lvs	240	
	11 <b>e</b> 65	Thr	Ата	стА	Thr	70	1111	pne	гур	ALA.	75	Ala	var	1112	1100	80		
	σta	gga	cao	tac	agc	atc	cct	gtt	aat	ggt	gat	ttc	gaa	gac	gat	atc	288	
50	Val	Gly	Gln	Tyr	Ser	Ile	Pro	Val	Asn	Gly 90	Asp	Phe	Glu	Asp	Asp 95	Ile		
					85								<b>.</b>			~++	224	
	tgt Cvs	gaa Glu	atc Ile	gag Glu	ttg Leu	gtt Val	aag Lys	agc Ser	ccc Pro	aac Asn	Ser	Glu	Cys	Ser	Glu	Val	336	
55	2			100			_		105		·			110	)			
	tca	cat	gat	gtt	tat	gcc	aag	caa	tct	gct	aag	gtt	agc	cta	aca	tcc	384	
	Ser	His	<b>Asp</b> 115	Val	Tyr	Ala	Lys	Gln 120	Ser	Ala	гла	val	125	ьеu	III	Ser		

1

60

# ES 2 199 050 A1

5	aac Asn	aat Asn 130	Gly	gaa Glu	gct Ala	tca Ser	gac Asp 135	Ile	cgc Arg	agc Ser	gcc Ala	aat Asn 140	Ala	ctc Leu	gga Gly	ttc Phe	432
10	atg Met 145	agg Arg	aag Lys	gag Glu	ccc Pro	ctt Leu 150	aaa Lys	gag Glu	tgc Cys	cct Pro	gag Glu 155	gtt Val	ctc Leu	aag Lys	gag Glu	ttg Leu 16	
10	gat Asp	ctt Leu	tat Tyr	gat Asp	gtt Val 165	aaa Lys	gct Ala	aat Asn	taa	aaa	aaac	aaa	ttat <sup>.</sup>	tttc	gt		527
15	ttt	ccaa	ctt	attc	ttaa	cc t	aaag	caga	t ag	ccat	acag						5.67
20		0> 2															
		1> 1															
	<212	2> P	RT														
25	<213	3> C	henoj	podi	um a.	lbum											
	<220	)>															
			ig_p		de												
20	<222	2> (	1)(2	26)													
30	<300	3>															
	<308	3> A:	Y049	012													
	<309	9> 20	001	10 1	9 .												
35																	
	<40	0> 2	2														
40	Met 1	Ala	Lys	Cys	Gln 5	Ala	Val	Phe	Leu	Leu 10	Val	Gly	Ala	Leu	<b>Cys</b>		
	Leu	Ser	Leu	<b>Ala</b> 20	Gly	Val	Ala	Asn	<b>Ala</b> 25	Ala	Glu	Asn	His	Phe 30	Lys	Val	
45	Gln	Gly	Met 35	Val	Tyr	Cys	Asp	Thr 40	Cys	Arg	Ile	Gln	Phe 45	Met	Thr	Arg	
	Ile	Ser 50	Thr	Ile	Met	Glu	<b>Gly</b> 55	Ala	Thr	Val	Lys	Leu 60	Glu	Cys	Arg	Asn	
50	Il <b>e</b> 65	Thr	Ala	Gly	Thr	<b>Gln</b> 70	Thr	phe	Lys	Ala	<b>Glu</b> 75	Ala	Val	Thr	Asp	Lys 80	
	Val	Gly	Gln	Tyr	<b>Ser</b> 85	Ile	Pro	Val	Asn	<b>Gly</b> 90	Asp	Phe	Glu	Asp	<b>Asp</b> 95	Ile	
55	Cys	Glu	Ile	<b>Glu</b> 100	Leu	Val	Lys	Ser	Pro 105		Ser	Glu	Cys	Ser 110		Val	
60	Ser	His	<b>Asp</b> 115	Val	Tyr	Ala	Lys	Gln 120	Ser	Ala	Lys	Val	<b>Ser</b> 125	Leu	Thr	Ser	

## ES 2 199 050 A1

1.5 20 25 30 35 45 50		Asn	<b>Asn</b> 130	Gly	Glu	Ala	Ser	<b>Asp</b> 135	Ile	Arg	Ser	Ala	Asn 140	Ala	Leu	Gly	Phe
165 10 15 15 10 15 10 15 10 15 10 15 10 15 10 15	5	<b>Met</b> 145	Arg	Lys	Glu	Pro	<b>Leu</b> 150	Lys	Glu	Cys	Pro	<b>Glu</b> 155	Val	Leu	Lys	Glu	<b>Leu</b> 160
20 25 30 35 40 55	10	Asp	Leu	Tyr	Asp	Val 168	Lys	Ala	Asn								
25 30 35 40 45 50	15																
30 35 40 45 50	20																
35 40 45 50	25																
10 15 50	30																
15 50 55	35																
50	40																
55	45																
	50																
	55																



① ES 2 199 050

 $\ensuremath{\textcircled{21}}\ \mbox{N.}^{\circ}$  solicitud: 200200686

22) Fecha de presentación de la solicitud: 22.03.2002

(32) Fecha de prioridad:

## INFORME SOBRE EL ESTADO DE LA TECNICA

(51) Int. Cl. <sup>7</sup> :	C12N 15/29, C07K 14/415, G01N 33/68, A61K 39/36, A61P 37/08

## **DOCUMENTOS RELEVANTES**

Categoría	Documentos citados								
A	WO 0212503 A (UNIVERSIDA todo el documento.	D COMPLUTENSE DE MADRID) 14.02.2002,	afectadas  1-18						
X: de Y: de m A: re	goría de los documentos citado e particular relevancia e particular relevancia combinado co isma categoría fleja el estado de la técnica	O: referido a divulgación no escrita n otro/s de la P: publicado entre la fecha de prioridad y la de de la solicitud E: documento anterior, pero publicado despué de presentación de la solicitud							
El pr ×	esente informe ha sido realiza para todas las reivindicaciones	para las reivindicaciones n°:							
Fecha d	le realización del informe 29.05.2003	<b>Examinador</b> M. Novoa Sanjurjo	Página $1/1$						